



Результат исследования № **00000** от 21.11.2024

ФИО:
Дата рождения:
Пол: М
Дата взятия биоматериала: 21.11.2024
Дата регистрации: 21.11.2024
Врач:
Биоматериал: кровь



Номер образца:
Отделение / карта: /
Страховая компания: N/A
№ полиса:

Исследование Генетическая предрасположенность к развитию атеросклероза, ИБС, дислипидемии

Фенотип Развитие атеросклероза, ИБС, дислипидемии

Результат:

Ген	Название гена	Вариант	Генотип	Риск
ACE	Ангиотензин-превращающий фермент (Дипептидилкарбоксипептидаза 1)	Alu-Ins/Del	I/D	Повышенный
ADD1	Аддуцин 1 (альфа)	c.1378G>T;p.Gly460Trp	Gly/Trp	Повышенный
AGT	Ангиотензиноген	NC_000001.11: g.230710048A>G	A/A	Среднепопуляционный
APOE	Аполипопротеин E	p.Arg176Cys; c.526C>T	T/T	Среднепопуляционный
APOE	Аполипопротеин E	p.Cys130Arg; c.388T>C	T/T	Среднепопуляционный
APOE	Аполипопротеин E	*E2,*E3,*E4; c.388T>C+ c.526C>T	*E2/*E2	Высокий
NOS3	Эндотелиальная синтаза оксида азота, тип 3	c.-51-762C>T; c.-786T>C; IVS1-762C>T	T/C	Повышенный
PON1	Параоксоназа 1	c.575A>G; Q192R	Gln/Gln	Среднепопуляционный

Расшифровка рисков:

риск «Протективный» – OR 0–1; риск «Среднепопуляционный» – OR 1; риск «Повышенный» – OR 1–3; риск «Высокий» – OR 3–5.



CHROMOLAB

Научно-лабораторный комплекс

Заключение

ACE(Alu-Ins/Del)

Ген ACE кодирует ангиотензин I-превращающий фермент (АПФ), катализирующий расщепление ангиотензина I в физиологически активный пептид ангиотензин II. АПФ участвует в регуляции кровяного давления и баланса электролитов путём гидролиза ангиотензина I в ангиотензин II. Вариант Ins/Del гена ACE ассоциирован с увеличением уровня АПФ в плазме крови и, как следствие, с развитием сердечно-сосудистых заболеваний. Выявленный генотип I/D варианта Ins/Del гена ACE связан с повышенным риском развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и дислипидемии. Аллель D встречается у 30% населения и рассматривается как генетический фактор предрасположенности к инфаркту миокарда.

ADD1(c.1378G>T;p.Gly460Trp)

Ген ADD1 кодирует альфа-субъединицу белка аддуцина, который регулирует активность натрий-калиевой аденозинтрифосфатазы, участвующей в переносе ионов натрия и калия через мембрану эпителия почек. Вариант c.1378G>T гена ADD1 ассоциирован с нарушением обмена натрия и калия в организме: в клетках почек изменённый аддуцин приводит к повышению активности натрий-калиевого насоса, нарушению реабсорбции натрия в тубулярном аппарате почек и, как следствие, к развитию артериальной гипертонии. Выявленный генотип Gly/Trp варианта c.1378G>T гена ADD1 связан с повышенным риском развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и дислипидемии. Носительство аллеля Trp при терапии тиазидными диуретиками значительно снижает риск развития инсульта или инфаркта на фоне повышенного давления.

AGT(NC_000001.11: g.230710048A>G)

Ген AGT кодирует белок ангиотензиноген, который выступает в роли предшественника нейrogормона ангиотензина II, являющегося мощным вазоконстриктором. Вариант NC_000001.11:g.230710048A>G гена AGT ассоциирован с увеличением уровня ангиотензина в плазме крови, что приводит к развитию артериальной гипертонии и ишемической болезни сердца. Выявленный генотип A/A варианта NC_000001.11:g.230710048A>G гена AGT не связан с повышенным риском развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и дислипидемии.

APOE(p.Arg176Cys; c.526C>T)

Ген ApoE кодирует алипопротеин E, входящий в состав хиломикрон, липопротеидов очень низкой и низкой плотности, и обладающий антиоксидантными, противовоспалительными и антиатерогенными свойствами. Вариант c.526C>T гена ApoE связан с изменением метаболизма холестерина, что в свою очередь влияет на вероятность возникновения сердечно-сосудистых заболеваний. Выявлен генотип T/T варианта c.526C>T гена ApoE, для оценки риска необходим одновременный анализ 2-х вариантов гена ApoE: c.388T>C и c.526C>T.

APOE(p.Cys130Arg; c.388T>C)

Ген ApoE кодирует алипопротеин E, входящий в состав хиломикрон, липопротеидов очень низкой и низкой плотности, и обладающий антиоксидантными, противовоспалительными и антиатерогенными свойствами. Вариант c.388T>C гена ApoE связан с изменением метаболизма холестерина, что в свою очередь влияет на вероятность возникновения сердечно-сосудистых заболеваний. Выявлен генотип T/T варианта c.388T>C гена ApoE, для оценки риска необходим одновременный анализ 2-х вариантов гена ApoE: c.388T>C и c.526C>T.



CHROMOLAB

Научно-лабораторный комплекс

АРОЕ(*E2,*E3,*E4;
с.526C>T)

с.388T>C+ Ген ApoE кодирует алипопротеин E, входящий в состав хиломикрон, липопротеидов очень низкой и низкой плотности, и обладающий антиоксидантными, противовоспалительными и антиатерогенными свойствами. Варианты с.388T>C и с.526C>T гена ApoE связаны с изменением метаболизма холестерина, что в свою очередь влияет на вероятность возникновения сердечно-сосудистых заболеваний. Выявленный генотип E2/E2 вариантов с.388T>C и с.526C>T гена ApoE связан с повышенным риском развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и дислипидемии. У носителей генотипа E2/E2 высок риск тяжелой дисбеталипопротеинемии и риск атеросклероза.

NOS3(с.-51-762C>T; с.-786T>C; IVS1-762C>T)

Ген NOS3 кодирует эндотелиальную синтазу азота 3-го типа, которая производит окись азота (NO) и участвует в процессе расслабления сосудистой стенки по цГМФ-опосредованному пути. NO способна запускать индуцируемый фактором роста сосудистого эндотелия (VEGF) рост коронарных сосудов и активировать тромбоциты. Вариант с.-786T>C гена NOS3 связан со снижением транскрипции гена, что приводит к уменьшению выработки NO и является фактором риска развития артериальной гипертензии, ишемической болезни сердца, инфаркта миокарда. Выявленный генотип T/C варианта с.-786T>C гена NOS3 связан с повышенным риском развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и дислипидемии.

PON1(с.575A>G; Q192R)

Ген PON1 кодирует фермент параоксоназу-1, циркулирующую в составе липопротеинов высокой плотности и участвующую в угнетении окислительной модификации липопротеинов низкой плотности (ЛПНП). Вариант с.575A>G гена PON1 влияет на каталитическую активность параоксоназы 1 и приводит к образованию низкоактивного фермента, вследствие чего происходит отложение ЛПНП в стенках сосудов. Выявленный генотип Gln/Gln варианта с.575A>G гена PON1 не связан с повышенным риском развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и дислипидемии.

Ген	ACE Ангиотензин-превращающий фермент (Дипептидилкарбоксипептидаза 1)
Функция гена	Ген ACE локализован на хромосоме 17 (17q22-q24) и кодирует ангиотензин I-превращающий фермент, катализирующий расщепление ангиотензина I в физиологически активный пептид ангиотензин II. Обе формы ангиотензина играют важную роль в ренин-ангиотензиновой системе, регулирующей кровяное давление в организме. Ангиотензин II является мощным вазопрессором, альдостерон-стимулятором, а также обладает пролиферативным и провоспалительным эффектами.
Ген	ADD1 Аддуцин 1 (альфа)
Функция гена	Ген ADD1 кодирует α -субъединицу гетеродимерного белка аддуцина - компонента цитоскелета. Этот белок способствует прикреплению белка спектрина к актину, связывается с кальмодулином, является субстратом для протеинкиназ C и A, а также регулирует активность Na ⁺ /K ⁺ -АТФ-азы (натрий-калиевой аденозинтрифосфатазы), участвующей в переносе ионов натрия и калия через мембрану эпителия почек. Кроме того, α -аддуктин может использоваться как маркер, определяющий эффективность терапии диуретиками при расчете рисков сердечно-сосудистых осложнений.
Ген	AGT Ангиотензиноген
Функция гена	Ген AGT кодирует белок ангиотензиноген (предшественник ангиотензина). Данный белок экспрессируется в печени и расщепляется под действием фермента ренина в ответ на снижение артериального давления. Полученный продукт, ангиотензин I, затем расщепляется ангиотензин-превращающим ферментом (АПФ) до физиологически активного фермента ангиотензина II. Этот белок участвует в поддержании артериального давления, в патогенезе гипертензивной болезни и преэклампсии. Мутации в данном гене связаны с предрасположенностью к гипертонии.



CHROMOLAB

Научно-лабораторный комплекс

Ген	APOE Аполипопротеин E
Функция гена	Ген ApoE локализуется на хромосоме 19 и кодирует алипопротеин E, входящий в состав хиломикронов, липопротеидов очень низкой и низкой плотности. Этот белок обладает антиоксидантными, противовоспалительными и антиатерогенными свойствами. ApoE участвует в процессе удаления холестерина из клеток печени, макрофагов и клеток тканей нервной системы. Ген ApoE имеет три мажорные аллели: $\epsilon 2$, $\epsilon 3$ и $\epsilon 4$, кодирующие три изоформы E2, E3 и E4. Эти изоформы различаются по сродству к апопротеин-B, E-рецептору и аминокислотному составу в полиморфных участках E2 – Arg/Arg, E3 – Arg/Cys и E4 – Cys/Cys. Изменения в структуре ApoE влияют на метаболизм холестерина, что в свою очередь влияет на вероятность возникновения сердечно-сосудистых заболеваний. Также дефекты в гене аполипопротеина E приводят к семейной дисбеталипопротеинемии или к гиперлипопротеинемии III типа (HLP III), при которых увеличение уровня холестерина и триглицеридов в плазме являются следствием нарушения выведения остатков хиломикронов и липопротеинов очень низкой плотности.
Ген	NOS3 Эндотелиальная синтаза оксида азота, тип 3
Функция гена	Ген NOS3 кодирует белок – эндотелиальную синтазу азота 3-го типа. Эндотелиальная синтаза азота 3-го типа производит окись азота (NO), которая участвует в процессе расслабления сосудистой стенки по цГМФ-опосредованному пути. NO способна запускать индуцируемый фактором роста сосудистого эндотелия (VEGF) рост коронарных сосудов и активировать тромбоциты. Катализирует синтез NO из L-аргинина.
Ген	PON1 Параоксоназа 1
Функция гена	Ген PON1 кодирует фермент параоксоназу 1 (Арилэстераза В-типа). Данный фермент гидролизует пароксон с образованием p-нитрофенола, токсичные метаболиты ряда фосфоорганических инсектицидов, может обеспечивать ферментативную защиту липопротеинов низкой плотности от окислительных модификаций и приводить к антиатерогенным реакциям при специфичном связывании с соответствующими сайтами связывания макрофагов. PON1 имеет антиоксидативную и атеропротективную функции. PON1 также является важнейшим антиатеросклеротическим компонентом липопротеинов высокой плотности. Ген PON1 активируется PPAR, который усиливает синтез продукта этого гена в печени, предотвращая атеросклероз. Дефекты в гене PON1 сильно снижают каталитическую активность кодируемого фермента.

Дата:

Врач-генетик :

Подпись: