

**Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин
методом ПЦР в режиме реального времени**

Андрофлор®_А

Дата 20 Ноябрь 2023, 11:24:52
 Номер пробы 901463264667
 Ф.И.О. пациента
 Пол
 Возраст
 Организация
 Врач
 Примечание

129281, Москва,
 ул. Енисейская, д.37, стр.1
 Тел/факс: +7 945 640 064
 e-mail: info@kdl-test.ru
 www.kdllab.ru

Идентификатор образца: S909693

№	Название исследования	Результат		% от СВМО
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)	
	Геномная ДНК человека	10 4.7	<input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Транзиторная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
4	Streptococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
5	Corynebacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
	Сумма: Нормофлора	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
12	Atopobium cluster	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ анаэробы				
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
14	Anaerococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
16	Eubacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
	Сумма: УПМ анаэробы	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ Haemophilus spp.				
17	Haemophilus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.				
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Дрожжеподобные грибы				
20	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	

* Абсолютный анализ Lg(X)

** Качественный анализ

4 5 6 7 8 Lg
логарифмическая шкала

Исследование выполнил:

Дата:
Подпись:

Исследование микрофлоры уrogenитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор®Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ > 10⁵.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов – на <http://www.dna-technology.ru>.